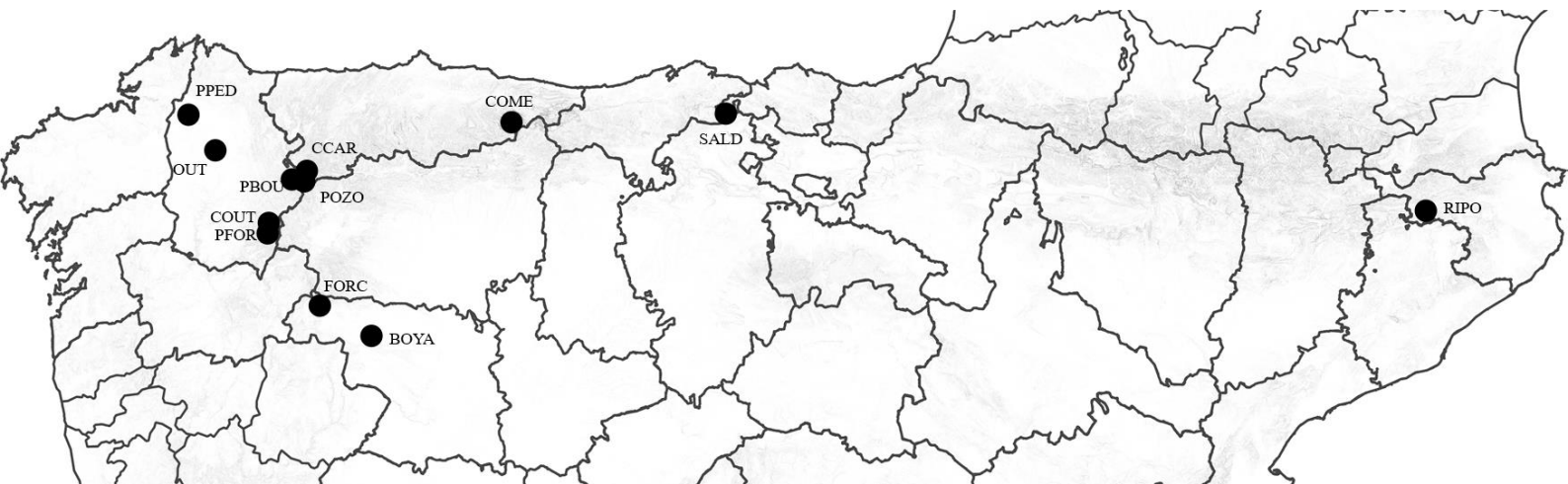


# Análises xenómicas en poboacións naturais de *Arnica montana* L.



**12 localidades – 120 individuos**

Localidade	Código	N
Ponte Pedrido (Guitiriz, Lugo)	PPED	10
Outeiro de Rei (Lugo)	OUT	12
Ponte de Bous (Serra dos Ancares, Lugo)	PBOU	12
Catro Carballos (Serra dos Ancares, León)	CCAR	5
Marco do Pozo (Serra dos Ancares, Lugo)	POZO	4
Alto do Couto (Serra do Courel, Lugo)	COUT	10
Pico Formigueiros (Serra do Courel, Lugo)	PFOR	9
Covadonga (Asturias)	COME	11
Boya (Zamora)	BOYA	13
Forcadura (Zamora)	FORC	14
Salduero (Vizcaia)	SALD	13
Ripollés (Girona)	RIPO	7

## Análises bioinformáticas



12 localidades – 120 individuos

Datos bioquímicos – 41 individuos

# Stacks

5675 SNPs

3730 SNPs

## Estimas de diversidad xenética

- DiveRsity (R) –  $H_o$ ,  $H_e$ ,  $F_{IS}$ , RA
- PopGenReport (R) – Alelos privados
- genepop (R) – Equilibrio Hardy-Weinberg
- NeEstimator – Censo efectivo ( $N_e$ )

## Estructura poboacional

- genepop (R) –  $F_{ST}$  global
- StAMPP (R) –  $F_{ST}$  a pares
- STRUCTURE – agrupamento bayesiano
- ParallelStructure (R) – paralelizar STRUCTURE
- CLUMPAK – visualizar resultados STRUCTURE
- adegenet (R) – DAPCs

## Detección de pegadas de selección

- BayeScan – Selección divergente - balanceadora/purificadora
- pcadapt (R) – Selección divergente

## Paneis de datos obtidos

- Neutral – 3514 SNPs
- Divergente global – 197 SNPs
- Divergente bioquímico – 412 SNPs
- Divergente común – 164 SNPs

STRUCTURE  
adegenet

## Anotación funcional

- Paneis divergentes
- BLAST
- Xenoma de *Helianthus annuus* (xirasol)